补充《医疗健康大数据分析》第二次作业 裴鲲鹏 202100172014

在上周周末，也就是3月10号，我交了第二次作业，其中的附加题部分，想完全使用python绕过R语言似乎并不现实。但在后来的几天，我偶然了解到Jupyter Notebook这个我们平时用来写python的网页，也可以写R语言，只不过需要配置R语言的内核，于是我便花费了些时间配置，然后写了DEseq2分析差异表达基因，具体内容见同文件目录下“R for DEseq2.ipynb”。